

货号	名称	规格	存储
F1707-12T	ChainFree® GFP-Tag ChIP 试剂盒	12T	-20℃
F1707-24T	ChainFree® GFP-Tag ChIP 试剂盒	24T	-20℃

### 产品简介

染色质免疫共沉淀（ChIP）是研究体内DNA与蛋白结合的技术。本试剂盒采用ChainFree® Anti-GFP纳米抗体磁珠来高效完成GFP或EGFP标签融合蛋白的ChIP实验。ChainFree® Anti-GFP 磁珠偶联的是经过严格筛选、优化并重组表达的GFP纳米抗体，所以IP洗脱液中不会有抗体轻、重链污染。

实验前将GFP或EGFP标签与目标蛋白在细胞或组织中融合表达。实验时，先用甲醛交联细胞内的“蛋白DNA”复合物，裂解细胞后，用超声波破碎DNA至适合的长度，采用ChainFree® Anti-GFP 磁珠捕获细胞内的GFP标签融合蛋白及其结合的DNA片段，去除未结合的DNA后，将蛋白与DNA解交联，提取结合的DNA。该DNA可用于后续的定量PCR检测（qPCR）或高通量测序（seq）。

### 试剂盒成分

编号	名称	12T 规格	24T 规格	储存条件
①	ChainFree® Anti-GFP 磁珠	250 μL	500 μL	4℃，1 年
②	裂解缓冲液	7 mL	14 mL	4℃，1 年
③	漂洗液	25 mL	50 mL	4℃，1 年
④	洗脱缓冲液	400 μL	800 μL	-20℃，1 年
⑤	10xTE 缓冲液	550 μL	1.1 mL	4℃，1 年
⑥	NaCl (5 M)	260 μL	520 μL	4℃，1 年
⑦	蛋白酶抑制剂	190 μL	380 μL	-20℃，1 年
⑧	RNase A	130 μL	260 μL	-20℃，1 年
⑨	Proteinase K	130 μL	260 μL	-20℃，1 年
⑩	中和液	40 μL	80 μL	4℃，1 年
⑪	10mL 离心管	1 个	1 个	—

**\*注意：**该试剂盒包含足够完成 12、24 或 40 个反应的试剂，每个反应使用 20 μL 磁珠。由于每次 IP 实验至少需要设置一个实验组和一个阴性对照组，因此一次实验至少需要使用 2 个反应的试剂量。

### 额外所需材料

- 自备材料：GFP 抗体（用于 Western-Blot 检测）、PBS、甲醛、甘氨酸、无水乙醇、80%乙醇、苯酚、氯仿、异戊醇、ddH<sub>2</sub>O。
- 所需仪器：磁力架、混匀仪、低温离心机、超声波破碎仪。

### 使用说明

#### I 注意事项

- 请勿干燥或剧烈涡旋磁珠，禁止长时间置于磁场，这些操作可能会引起磁珠聚团，降低结合活性。
- 为保证磁珠均匀分布，请在使用前通过反复颠倒、轻微涡旋彻底混匀磁珠。**
- 具体样品量和孵育时间依赖于每个特定体系，可能需要优化才能得到最大产量。
- 为了您的安全和健康，请穿实验服并戴一次性手套操作。

#### II 实验前准备工作：细胞交联

- 实验组和对照组分别取 3×10<sup>7</sup>个细胞，预冷的 PBS 漂洗 2~3 次，彻底去除培养基成分，4° C 1000g 离心 5 min 收集沉淀；

- 
- (2) 加入 10 mL PBS (含 270  $\mu$ L 37%甲醛, 甲醛终浓度为 1%) 重悬细胞, 放混匀仪上室温交联 10 min;
  - (3) 加入 1 mL 1.375 M 甘氨酸, 放混匀仪上室温孵育 5 min, 之后将样品置于冰上;
  - (4) 4°C 1000 g 离心 5 min 收集细胞, 弃上清;
  - (5) 加 10mL 预冷的 PBS 漂洗细胞 2~3 次, 彻底去除交联剂成分, 4°C 1000 g 离心 5 min 收集细胞沉淀, 液氮速冻 3 min, -80°C 保存。

### III 操作步骤

#### 1. 细胞裂解及染色质超声打断

- (1) 将样本管置于冰上, 每组加入 500  $\mu$ L ②裂解缓冲液、5  $\mu$ L ⑦蛋白酶抑制剂 (按 1%添加), 吹打混匀。
- (2) 超声打断染色质, 超声过程样品应始终处于冰浴中, 并保持较低温度, 以防染色质过热变性; 超声条件因细胞类型和超声设备而异, 请务必提前摸索好合适的超声打断条件, 使 DNA 片段大小在合适范围; 摸索超声条件时, 可以先固定其他条件, 先确定每次超声多长时间不会导致明显发热, 再摸索不同的超声次数; 需要注意的是每次超声的体积和细胞用量最好固定, 否则就不能使用一个相对比较固定的超声条件用于后续实验。

**【参考条件:** 非接触式全自动超声波破碎仪, 高功率, 30 s +30 s (超声 30 s, 暂停 30 s) 超声 28 轮; 接触式超声仪, 35%功率, 2 s+5 s (超声 2 s, 暂停 5 s) 超声 15 min。】

- (3) 4°C 13000 g 离心 10 min, 取上清至新的离心管中。
- (4) 取 5  $\mu$ L 上清进行解交联 (见下述步骤 4 “解交联”, 其中 ⑧RNase A 和 ⑨Proteinase K 的用量均为 1.5  $\mu$ L), 并电泳检测 DNA 片段大小; 打断的 DNA 通常在 100~1000 bp 中间, ChIP-Seq 要求 DNA 片段最好在 100~500 bp 之间, ChIP-qPCR 要求 DNA 片段最好在 300~1000 bp 之间。
- (5) 如果 DNA 片段化不成功, 则将步骤(3)获得的上清液继续超声, 直至获得合适大小的 DNA 片段; 如果片段化成功, 则从上清液中取 30  $\mu$ L 作为蛋白 input, 取 30  $\mu$ L 作为 DNA input, 剩余用于 ChIP 实验, -80°C 保存。

**\* 注意:** 如果样本中目标蛋白丰度较低, 或结合物间的结合较弱, 可以增加初始样本量, 同时等比例增加裂解缓冲液和酶抑制剂的用量, 但总孵育体积最大不超过离心管体积的 2/3, 体积过大可以更换大规格离心管。

#### 2. 漂洗液准备

为了防止实验过程中的蛋白降解, 需要向漂洗液中添加蛋白酶抑制剂。取出⑪10 mL 离心管, 加入实验组和对照组总共所需的 3.8 mL ③漂洗液、19  $\mu$ L ⑦蛋白酶抑制剂 (按 0.5%添加), 混合均匀, 冰上保存, 现配现用。如果有多个样本, 请按照实际使用量配置。

#### 3. 染色质免疫共沉淀 (ChIP)

- (1) 将①ChainFree® Anti-GFP 磁珠颠倒混匀, 实验组和对照组各取 20  $\mu$ L 磁珠到新的离心管中;
- (2) 每组加入 200  $\mu$ L 漂洗液 (步骤 2 准备), 颠倒混匀 30 次, 放磁力架上静置 1 min 并弃上清;
- (3) 重复上步操作一次;
- (4) 向磁珠中加入样本裂解液 (步骤 1 制备), 放混匀仪上室温孵育 1 h 或 4°C 孵育 4 h;
- (5) 放磁力架上静置 1 min 并弃上清;
- (6) 每组加入 500  $\mu$ L 漂洗液 (步骤 2 准备), 颠倒混匀 30 次, 放磁力架上静置 1 min 并弃上清;
- (7) 重复上步操作一次;
- (8) 再次加入 500  $\mu$ L 漂洗液 (步骤 2 准备), 颠倒混匀 30 次, 之后取 100  $\mu$ L 移入新的离心管中用于蛋白检测 (标注为管 1), 剩余 400  $\mu$ L 用于 DNA 提取 (标注为管 2), 两管分别放磁力架上静置 1 min 并弃上清;
- (9) 向管 1 中加入 20  $\mu$ L 1×SDS-PAGE 上样缓冲液并煮沸 3 min, 放磁力架上静置 1 min, 收集上清至新的离心管中, 该 ChIP 样本与蛋白 input 都用于诱饵蛋白的 Western-Blot 检测;
- (10) 向管 2 中加入 30  $\mu$ L ④洗脱缓冲液, 涡旋震荡 20 s, 混匀仪上室温洗脱 10~15 min; 涡旋震荡 20 s, 1000 g 离心 20 s, 放磁力架上静置 1 min; 收集上清至新的离心管中, 加入 3  $\mu$ L ⑩中和液, 用于解交联和 DNA 提取。

#### 4. 解交联

本产品仅限科研。

- 
- (1) DNA Input 和 ChIP 样品置于 65°C 孵育 6 h 或者过夜;
  - (2) 每管加入 8 μL ⑧RNase A, 颠倒混匀 10~15 次, 37°C 孵育 0.5~2 h;
  - (3) 每管加入 8 μL ⑨Proteinase K, 55°C 孵育 2 h。

## 5. 沉淀 DNA

- (1) 每管分别加入 330 μL ddH2O、40 μL ⑤10x TE 缓冲液和 400 μL 苯酚:氯仿:异戊醇混合液 (25:24:1), 颠倒混匀 10~15 次, 室温 13000 g 离心 10 min, 转移上层水相到新的离心管中;
- (2) 每管加入 20 μL ⑥NaCl 和 1 mL 无水乙醇, -20°C 沉淀 2 h 或过夜, 4°C 16000 g 离心 30 min, 去上清;
- (3) 加入 500 μL 80%乙醇洗涤沉淀, 4°C 16000 g 离心 30 min, 去上清, 开盖晾干乙醇;
- (4) 加入 20 μL ddH2O, 溶解沉淀 DNA, -80°C 保存。

### 问题解决

问题	可能原因	解决方案
染色质无法打断/太短	交联时间过长/过短	改善交联时长
	超声条件不合适	重新摸索超声条件
获得的诱饵蛋白量少	样品中的诱饵蛋白含量低	提高样本用量
获得的 DNA 量少	样本量不够	提高细胞用量, 或增加细胞量与抗体磁珠的比例